

Supplementary Table 4 – Top AD-associated loci and SNPs across populations

Reported locus (nearest gene)	AfricanAmerican_TopSNP	AfricanAmerican_OR	AfricanAmerican_P-value	AfricanAmerican_MAF	Asian_TopSNP	Asian_OR	Asian_P-value	Asian_MAF	CaribbeanHispanic_TopSNP	CaribbeanHispanic_OR	CaribbeanHispanic_P-value	CaribbeanHispanic_MAF	NHW_TopSNP	NHW_OR	NHW_P-value	NHW_MAF
ABCA7	rs115550680	1.79	2.21E-09	0.07	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs3752246	1.15	3.10E-16	0.182
AC098650.1	rs2221154	0.57	2.58E-06	0.19	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs6504163	0.952381	5.40E-09	0.37
ACE	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs593742	0.943396	6.20E-11	0.31
ADAM10	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs2830500	0.93	2.60E-08	0.308
ADAMTS1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs7295246	1.07	2.70E-07	0.413
ADAMTS20	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs4296166	1.12	4.08E-06	0.478
AKAP6	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs445925	0.74	4.10E-11	0.12
ARHGAP45	rs115553053	1.86	3.14E-08	0.06	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
ARID5B	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs2588969	0.88	6.90E-07	0.366
ARL17B	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs2732703	0.73	5.80E-09	0.13
BCAM	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs10402271	1.26	2.14E-07	0.36
BCKDK	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs889555	0.95	3.20E-08	0.29
BCL3	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs2965101	0.934579	5.50E-03	0.31
BIN1	rs11685593	1.66	9.80E-03	0.06	rs744373	1.25	1.39E-04	0.33	NA	NA	NA	NA	rs9331896	0.88	4.60E-24	0.387
CACNA2D3	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs7431992	1.59	1.99E-08	0.1	NA	NA	NA	NA
CASS4	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs6024870	0.88	3.50E-08	0.088
CCDC83	NA	NA	NA	NA	rs10898417	0.59	1.17E-06	0.15	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
CD2AP	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs9473117	1.09	1.20E-10	0.28
CD33	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs3865444	0.87	8.00E-03	0.25	rs3865444	0.91	5.10E-08	0.307
CDCA25E2	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs3822126	0.87	2.00E-07	0.36
CDH9	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs71618613	0.71	3.30E-07	0.01
CEACAM16	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs2965109	0.92	2.70E-03	0.38
CELF1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs10838725	1.08	6.70E-06	0.316
CLDN18	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs16847609	1.19	5.30E-07	0.09
CLU	NA	NA	NA	NA	rs2279590	0.85	7.01E-03	0.25	NA	NA	NA	NA	rs11218343	0.8	2.90E-12	0.04
CNTNAP2	rs10273775	1.52	8.94E-06	0.42	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
COBL	rs112404845	3.59	8.70E-07	0.01	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
CR1	NA	NA	NA	NA	rs6656401	1.38	9.02E-03	0.04	NA	NA	NA	NA	rs6733839	1.2	2.10E-44	0.407
CYB5E1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs138190086	1.3	5.30E-09	0.02
CYP27C1	rs7585314	0.75	3.00E-03	0.33	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
DSG2	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs8093731	0.54	4.60E-08	0.017
ECHDC3	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs7920721	1.08	1.80E-11	0.39
EED	NA	NA	NA	NA	rs3851179	0.8	1.71E-05	0.39	NA	NA	NA	NA	rs4844610	1.17	3.60E-24	0.187
EF3AB14	NA	NA	NA	NA	rs7519866	0.71	9.70E-06	0.37	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
ENOX1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
EPHA1	rs17460623	0.48	9.37E-06	0.1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs10808026	0.9	1.30E-10	0.199
FBXL7	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs75002042	0.6	4.70E-09	0.08	NA	NA	NA	NA
FERMT2	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs17125924	1.14	1.40E-09	0.093
FST	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs35868327	0.68	2.60E-07	0.013
GATA3	NA	NA	NA	NA	rs1273007	0.68	3.08E-06	0.27	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
GPR141	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs4723711	0.94	2.80E-07	0.356
GRIA4	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs509512	0.75	7.37E-06	0.43
GRIN3B	rs115882880	1.55	6.34E-08	0.11	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
HAS2	rs956225	0.3	8.71E-06	0.03	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
HBEFG	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs11168036	1.12	3.20E-07	0.5
HID1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs71380849	1.47	9.10E-07	0.06
HLA-DQA1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs9271192	1.11	1.60E-08	0.276
HLA-DRB1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs9271058	1.1	1.40E-11	0.27
IGLON5	rs10419982	1.38	5.40E-04	0.4	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
INPP5D	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs10933431	0.91	3.40E-09	0.223
IQCK	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs7185636	0.92	2.40E-08	0.18
KAZN	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs7527934	0.87	5.87E-06	0.257
LTPB2	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs2043948	1.27	4.44E-07	0.077
MAR4	NA	NA	NA	NA	rs597668	0.88	8.23E-03	0.43	NA	NA	NA	NA	rs597668	1.17	6.45E-09	0.154
MEF2C	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs190982	0.92	2.50E-06	0.408
MS4A4A	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs4938933	0.88	1.66E-09	0.396
MS4A6A	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs7933202	0.89	1.90E-19	0.391
MSX2	rs145848414	2.29	6.90E-08	0.04	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
MTHFD1L	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs11754661	2.1	1.90E-10	0.07
NDUF4F6	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs4735340	0.94	9.20E-08	0.476
NECTIN2	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs6859	1.41	9.60E-08	0.46
NYAP1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs12539172	0.92	9.30E-10	0.303
OARD1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs114812713	1.32	2.10E-13	0.03
PALM2AKAP2	NA	NA	NA	NA	rs913360	1.56	1.83E-07	0.28	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
PGM2L1	rs3888908	1.72	9.52E-06	0.15	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
PICALM	rs12795381	0.49	8.60E-03	0.04	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs10792832	0.88	6.50E-16	0.358
POLN	rs1923775	1.6	5.61E-06	0.25	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
PROX1	rs340849	0.59	7.52E-06	0.2	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
PTK2B	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs73223431	1.1	6.30E-14	0.367
RAD51AP2	rs11889338	1.55	8.94E-06	0.26	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
RDH13	NA	NA	NA	NA	rs11621843	1.47	5.19E-06	0.26	NA	NA	NA	NA	rs6509916	1.34	5.83E-06	0.46
RIN3	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
RNF6	rs17511627	1.75	5.01E-06	0.17	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
SLC10A2	rs16961023	2.77	8.01E-07	0.02	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
SLC24A4	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs12881735	0.92	7.40E-09	0.221
SLC4A1AP	rs17006206	2.05	2.30E-06	0.1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
SORL1	NA	NA	NA	NA	rs3781834	0.74	7.30E-07	0.23	NA	NA	NA	NA	rs3851179	0.88	6.00E-25	0.356
SP1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs3740688	0.92	5.40E-13	0.448
SPPL2A	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs10467994	0.94	3.90E-07	0.333
STK24	rs912330	0.54	3.79E-06	0.14	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TAS2R60	rs4595035	1.25	9.40E-03	0.43	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TBX3	rs10850408	0.63	9.25E-07	0.34	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TMPPS15	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs2825544	1.14	4.85E-07	0.346
TMTC1	rs302318	0.59	1.97E-06	0.26	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
TNFAIP3	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs679670	0.74	9.83E-06	0.37
TREM2	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs75932628	2.08	2.70E-15	0.008
TRIP4	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs74615166	1.519	3.27E-03	0.023
TSPQAP1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs2632516	0.94	5.30E-08	0.44
WWOX	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs62039712	1.16	3.70E-08	0.116
ZC3H3	rs3750208	0.37	7.28E-06	0.04	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
ZCWPW1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	rs1476679	0.92	7.40E-06	0.287